

Структурная биоинформатика

Программа курса:

1. Основы рентгеноструктурного анализа (РСА) макромолекул
2. Индикаторы качества модели макромолекулы, построенной по данным РСА
3. Поверхность макромолекулы, алгоритмы её вычисления
4. Гидрофобное ядро молекулы белка, алгоритмы его нахождения
5. Структурные домены белков, алгоритмы их нахождения
6. Пространственное выравнивание структур белков
7. Структурные классификации доменов SCOP и CATH
8. Молекулярная динамика, основные принципы и ограничения